

Szczegółowy opis przedmiotu zamówienia – część I

L.p.	INDEX	Nazwa oprogramowania / minimalne parametry wymagane przez zamawiającego	Ilość	Opis techniczny oferowanego oprogramowania (podać również nazwę i wersję)
1	69855	<p>Oprogramowanie do zaawansowanych analiz bioinformatycznych oraz alignmentu i assemblingu DNA:</p> <p>Oprogramowanie Geneious R8 z upgrade do wersji R9 (Licencja floating non-commercial z upgrade do kolejnej (przyszłej) wersji) lub równoważne</p> <p>Warunki równoważności:</p> <ol style="list-style-type: none"> 1. Wbudowany moduł wyszukiwanie sekwencji DNA lub białkowych w bazach danych; 2. Wbudowany moduł przeszukiwania tekstów i literatury specjalistycznej z zakresu genomiki organizmów, fizjologii, biochemii i biologii molekularnej; 3. Wsparcie dla najpopularniejszych formatów wyjściowych i wejściowych, m.in. VectorNTI, DNASTar, MEGA, BAM/SAM, Fastq, FASTA, Qual, Clustal, GCG, Molecular structure 4. Wbudowany organizator danych bioinformatycznych; tworzenie i modyfikacja baz danych użytkownika, jednoczesna zmiana nazwy wielu plików, jednoczesny eksport wielu plików; 5. Możliwość pracy z wykorzystaniem wbudowanych ścieżek analiz oraz śledzenia przebiegu analiz (<i>workflow tracking</i>); możliwość tworzenia i zapisywania własnych ścieżek analiz; 6. Edycja chromatogramu po sekwencjonowaniu DNA i assembling sekwencji na podstawie chromatogramu; 	4	

Platforma Analiz i Archiwizacji Danych (PAAD) - Projekt współfinansowany ze środków Europejskiego Funduszu Rozwoju Regionalnego w ramach Programu Operacyjnego Innowacyjna Gospodarka „Dotacje na innowacje”

Uniwersytet Śląski w Katowicach
ul. Bankowa 12, 40-007 Katowice

Instytut Niskich Temperatur i Badań Strukturalnych PAN we Wrocławiu im. Włodzimierza Trzebiatowskiego
ul. Okólna 2, 50-422 Wrocław

	<ol style="list-style-type: none"> 7. Porównywanie sekwencji parami i wielosekwencyjne (<i>pairwise & multiple alignment</i>); wbudowane algorytmy analiz porównawczych minimum: ClustalW i MUSCLE; wyświetlanie adnotacji w obrębie porównywanych elementów, ręczna korekta porównań, tworzenie LOGO sekwencji na podstawie porównań; 8. Wbudowane narzędzia do analiz filogenetycznych w oparciu o sekwencje wykorzystujące metody <i>Neighbor Joining</i> i UPGMA, możliwość dodawania dodatkowych metod analiz filogenetycznych; tworzenie i przeglądanie drzew filogenetycznych; 9. Narzędzia do klonowania molekularnego i analizy restrykcyjnej; 10. Generowanie predykcji i adnotacji; 11. Projektowanie i analiza starterów; 12. Wbudowana przeglądarka genomów; 13. Mapowanie sekwencji z użyciem genomu referencyjnego; 14. Wykrywanie wariantów sekwencji; 15. Assembling sekwencji <i>de novo</i> na podstawie sekwencji uzyskanych metodami NGS i metodą Sanger; możliwość assemblingu sekwencji pochodzących z sekwenatorów różnych typów; 16. Genotypowanie z wykorzystaniem markerów mikrosatelitarnych na podstawie wyników generowanych w sekwenatorach ABI; 17. API, wsparcie dla wtyczek rozszerzających funkcjonalność; 18. Możliwość wysłania sekwencji do GenBank; 19. Wizualizacja wyników analiz; 20. Graficzny interfejs użytkownika; 21. Wsparcie dla systemów: Windows, Mac OS X i Linux. 	
--	---	--

Platforma Analiz i Archiwizacji Danych (PAAD) - Projekt współfinansowany ze środków Europejskiego Funduszu Rozwoju Regionalnego w ramach Programu Operacyjnego Innowacyjna Gospodarka „Dotacje na innowacje”

Uniwersytet Śląski w Katowicach
ul. Bankowa 12, 40-007 Katowice

Instytut Niskich Temperatur i Badań Strukturalnych PAN we Wrocławiu im. Włodzimierza Trzebiatowskiego
ul. Okólna 2, 50-422 Wrocław



UNIA EUROPEJSKA
EUROPEJSKI FUNDUSZ
ROZWOJU REGIONALNEGO



Załącznik nr 2I do SIWZ DZP.381.48.2015.DW

1. Usługa wsparcia technicznego i aktualizacji co najmniej 12 miesięcy. W ramach świadczenia usługi wsparcia technicznego i aktualizacji dla oprogramowania przez Wykonawcę, Zamawiający musi mieć prawo do:
 - a. otrzymania nowych wersji oprogramowania i udoskonaleń do wersji bieżących oprogramowania (otrzymanie nowych edycji oprogramowania, wydań uzupełniających, poprawek programistycznych) wraz z licencją bez dodatkowych opłat licencyjnych;
 - b. asysty technicznej w zakresie problemów oraz zgłaszania błędów do Wykonawcy.
2. Produkty lub rozwiązania równoważne nie mogą wpłynąć negatywnie na stabilność i wydajność systemów posiadanych przez Zamawiającego.

Na podstawie art. 29 ust. 3 Pzp Zamawiający nie jest w stanie opisać przedmiotu zamówienia w sposób jednoznaczny i wyczerpujący dlatego posługuje się znakami towarowymi.

.....
data i czytelny podpis lub podpis na pieczęci imiennej osoby
upoważnionej do składania oświadczeń w imieniu Wykonawcy